

List of Reciprocal Translocation Stocks Maintained
by the Maize Genetics Cooperative

Translocation		Break Points*		Translocation		Break Points	
1-2	7039	1S.90	2S.89	1-3	5982	1S.77	3L.66
1-2	d	1S.78	2L.56	1-3	8995	1S.49	3L.06
1-2	c	1S.77	2L.33	1-3	k	1S.17	3L.34
1-2	e	1S.61	2L.47	1-3	a	1S.15	3L.17
1-2	4464	1S.53	2L.28	1-3	c	1S.14	3L.14
1-2	b	1S.43	2S.36	1-3	h	1S.06	3L.04
1-2	036-7	1S.37	2L.33	1-3	013-9	1ctr.	3ctr.
1-2	5255	1S.25	2S.31	1-3	6861	1L.04	3L.65
1-2	5896	1S.22	2S.30	1-3	8048	1L.11	3S.18
1-2	004-11	1S.13	2S.36	1-3	j	1L.11	3L.13
1-2	8628	1ctr.	2L.49	1-3	6884	1L.17	3L.19
1-2	5946	1ctr.	2ctr.	1-3	024-14	1L.27	3S.49
1-2	028-17	1ctr.	2ctr.	1-3	8637	1L.37	3S.50
1-2	4937	1L.10	2S.15	1-3	4759	1L.39	3L.20
1-2	5453	1L.11	2S.58	1-3	e	1L.58	3L.45
1-2	051-1	1L.16	2S.30	1-3	8405	1L.60	3L.31
1-2	018-18	1L.16	2L.44	1-3	d	1L.61	3S.75
1-2	5539	1L.21	2L.61	1-3	5476	1L.66	3L.87
1-2	5523	1L.27	2S.62	1-3	i	1L.68	3S.30
1-2	041-9	1L.27	2S.57	1-3	5267	1L.72	3L.73
1-2	6892	1L.30	2L.35	1-3	4314	1L.81	3L.89
1-2	6427	1L.43	2L.50	1-3	5242	1L.90	3L.65
1-2	7211	1L.57	2L.79				
1-2	6883	1L.63	2L.52	1-4	h	1S.94	4L.52
1-2	017-3	1L.67	2S.58	1-4	002-19	1S.87	4L.42
1-2	5376	1L.77	2L.08	1-4	5680	1S.87	4L.45
				1-4	4308	1S.65	4L.58
1-3	5883	1S.88	3S.60	1-4	b	1S.55	4L.83
1-3	5597	1S.77	3L.48	1-4	8602	1S.41	4L.81

*Break points taken from Longley, A. E.; Crops Research Bulletin, ARS 34-16, January, 1961.

Translocation	Break Points	Translocation	Break Points
1-4 064-20	1S.23 4L.19	1-5 e	1L.03 5L.09 1S.13 5S.24**
1-4 5566	1S.21 4L.26	1-5 f	1L.07 5L.09
1-4 8368	1S.14 4S.30	1-5 6401	1L.14 5S.20
1-4 K-40	1S.13 4S.42	1-5 7219	1L.15 5S.19 1S.18 5L.39**
1-4 8663	1S.09 4S.36	1-5 h	1L.18 5L.53
1-4 5629	1L.10 4L.10	1-5 c	1L.34 5L.29
1-4 039-15	1L.14 4S.26	1-5 070-12	1L.39 5S.71
1-4 6422	1L.16 4S.11	1-5 7212	1L.44 5S.28
1-4 5373	1L.17 4S.29	1-5 4597	1L.52 5S.43
1-4 f	1L.25 4L.16	1-5 a	1L.52 5S.42 1L.62 5L.44**
1-4 8249	1L.26 4L.63	1-5 g	1L.58 5S.85
1-4 d	1L.27 4L.30	1-5 8041	1L.80 5L.15 1L.80 5S.10**
1-4 c	1L.33 4S.23	1-5 7267	1L.92 5L.82
1-4 8563	1L.39 4S.21		
1-4 4692	1L.46 4L.15	1-6 8452	1S.80 6L.52
1-4 a	1L.51 4S.69	1-6 8609	1S.79 6L.59
1-4 5438	1L.93 4L.81	1-6 028-13	1S.56 6L.54
1-4 g	1L.95 4L.35	1-6 7097	1S.46 6L.62
		1-6 7352	1S.40 6L.60
1-5 5045	1S.94 5L.50	1-6 e	1S.37 6L.21 6S **
1-5 058-2	1S.88 5S.62	1-6 055-10	1S.29 6L.48
1-5 4613	1S.78 5L.22	1-6 5013	1S.26 6L.28
1-5 5525	1S.75 5S.53	1-6 5495	1S.25 6S.80
1-5 i	1S.71 5S.74	1-6 c	1S.25 6L.27
1-5 6899	1S.32 5S.20 1S.40 5L.10**	1-6 6189	1S.23 6L.17 6S **
1-5 b	1S.17 5L.10	1-6 4986	1S.21 6S.78
1-5 043-15	1S.10 5L.63	1-6 5077	1S.20 6L.60
1-5 5512	1S.08 5L.70	1-6 h	1L.03 6L.17
1-5 6197	1S.02 5L.02	1-6 d	1L.13 6S.74
1-5 8782	1ctr. 5ctr. L-S or S-L **		

**Break points determined by Dr. C. R. Burnham and students,
University of Minnesota.

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
1-6	g	1L.16	6L.84	1-8	8919	1S.53	8L.44
1-6	a	1L.20	6L.54	1-8	4307-4	1S.42	8L.61
1-6	8415	1L.29	6S.82	1-8	001-13	1S.39	8L.67
1-6	f	1L.32	6L.42	1-8	4685	1S.20	8L.21
1-6	070-1	1L.40	6L.58	1-8	6591	1S.18	8S.43
1-6	5225	1L.61	6L.72	1-8	008-17	1S.16	8L.20
1-6	4456	1L.71	6L.30	1-8	5588	1S.10	8S.32
1-6	8658	1L.79	6L.91	1-8	055-23	1ctr.	8ctr.
				1-8	064-13	1ctr.	8ctr.
1-7	4742	1S.95	7L.03	1-8	4676	1L.04	8S.06
1-7	g	1S.79	7S.22	1-8	5619	1L.07	8L.16
1-7	4837	1S.73	7L.55	1-8	5634	1L.08	8S.28
1-7	f	1S.72	7L.80	1-8	5384	1L.10	8L.59
1-7	4444	1S.65	7S.50	1-8	8683	1L.11	8ctr.
1-7	4405	1S.43	7S.46	1-8	8640	1L.11	8L.16
1-7	6796	1S.40	7S.39	1-8	020-19	1L.11	8L.38
1-7	010-12	1S.35	7L.57	1-8	4748	1L.12	8L.15
1-7	i	1S.31	7L.26	1-8	036-4	1L.18	8L.59
1-7	4302-31	1S.15	7L.12	1-8	005-7	1L.22	8L.78
1-7	A-37	1L.10	7L.56	1-8	7509	1L.28	8L.21
1-7	5871	1L.12	7L.24	1-8	5752	1L.36	8L.25
1-7	4891	1L.12	7L.69	1-8	a	1L.41	8S.52
1-7	j	1L.20	7L.61	1-8	026-2	1L.49	8L.80
1-7	5339	1L.24	7L.14	1-8	6766	1L.54	8L.77
1-7	a	1L.28	7L.13	1-8	b	1L.59	8L.82
1-7	e	1L.39	7L.11	1-8	5821	1L.65	8L.31
1-7	c	1L.39	7L.14	1-8	6697	1L.89	8L.52
1-7	h	1L.46	7L.19	1-8	5910	1L.93	8L.67
1-7	4420	1L.47	7L.90	1-8	5704	1L.96	8S.67
1-7	b	1L.53	7S.12** 7L				
1-7	d	1L.81	7S.44	1-9	024-7	1S.71	9L.13
1-7	5693	1L.92	7L.18	1-9	8302	1S.55	9L.29

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
1-9	8001	1S.51	9L.24	2-3	023-5	2S.80	3L.70
1-9	c	1S.48	9L.22	2-3	8662	2S.78	3L.83
1-9	7535	1S.33	9S.27	2-3	e	2S.76	3L.48
1-9	8918	1S.21	9L.20	2-3	5800	2S.73	3S.81
1-9	6762	1S.16	9L.53	2-3	5304	2S.62	3L.29
1-9	a	1S.13	9L.15	2-3	c	2S.46	3S.52
1-9	8460	1S.13	9L.24	2-3	6270	2S.46	3L.60
1-9	5622	1L.10	9L.12	2-3	014-12	2S.43	3L.51
1-9	4995	1L.19	9S.20	2-3	6862	2S.39	3L.20
1-9	8886	1L.33	9L.23	2-3	4369	2S.19	3S.26
1-9	4997	1L.37	9S.28	2-3	010-10	2S.17	3L.13
1-9	d	1L.42	9L.25	2-3	4301-111	2ctr.	3ctr.
1-9	b	1L.50	9L.60	2-3	023-2	2ctr.	3ctr.
1-9	4398	1L.51	9S.19	2-3	055-7	2L.10	3S.31
1-9	8389	1L.74	9L.13	2-3	005-14	2L.12	3S.29
1-9	035-10	1L.89	9S.67	2-3	h	2L.14	3L.07
				2-3	8483	2L.14	3L.12
1-10	g	1S.80	10L.21	2-3	I-10	2L.19	3S.51
1-10	007-19	1S.07	10L.08	2-3	g	2L.21	3S.21
1-10	f	1S.04	10L.30	2-3	7285	2L.26	3L.39
1-10	4885	1ctr.	10ctr.	2-3	033-4	2L.27	3L.23
1-10	8770	1L.09	10L.38	2-3	f	2L.35	3S.60
1-10	e	1L.16	10L.31	2-3	b	2L.45	3L.08
1-10	068-14	1L.16	10L.79	2-3	d	2L.67	3L.48
1-10	5273	1L.17	10L.69	2-3	4303-74	2L.73	3L.68
1-10	b	1L.19	10S.39	2-3	6750	2L.76	3S.53
1-10	a	1L.29	10L.33	2-3	6284	2L.81	3L.75
1-10	c	1L.43	10L.74				
1-10	8491	1L.45	10L.76	2-4	5157	2S.86	4L.07
1-10	d	1L.50	10L.68	2-4	8865	2S.52	4L.27
1-10	015-9	1L.67	10S.46	2-4	060-8	2S.50	4L.37
1-10	8375	1L.69	10L.64	2-4	018-3	2S.38	4L.47
1-10	001-3	1L.86	10L.48	2-4	5495	2S.27	4L.10

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
2-6	8441	2L.94	6S.79 6S.org.**	2-8	031-7	2L.30	8S.44
				2-8	"84"	2L.32	8L.30
2-7	5279	2S.93	7L.25	2-8	051-15	2L.62	8L.48
2-7	5144	2S.35	7L.08	2-8	062-15	2L.70	8L.26
2-7	022-4	2S.30	7L.24	2-8	g	2L.71	8S.71
2-7	8045	2S.12	7L.06	2-8	051-7	2L.83	8L.74
2-7	d	2L.16	7L.18	2-8	48-45-6	2L.84	8L.68
2-7	4400	2L.24	7L.32	2-8	8376	2L.95	8L.03
2-7	f	2L.30	7L.68	2-8	037-5	2L.95	8L.54
2-7	b	2L.37	7L.12				
2-7	c	2L.47	7S.34	2-9	7096	2S.57	9L.66
2-7	4519	2L.65	7L.66	2-9	c	2S.49	9S.33
2-7	5783	2L.66	7L.10	2-9	a	2S.36	9L.58
2-7	038-12	2L.75	7S.68	2-9	055-14	2S.28	9L.27
2-7	8322	2L.76	7L.74	2-9	5711	2S.24	9L.23
2-7	e	2L.82	7L.63	2-9	b	2S.18	9L.22
				2-9	062-11	2L.21	9S.53
2-8	013-17	2S.89	8L.61	2-9	5257	2L.28	9L.20
2-8	4711	2S.86	8L.67	2-9	6656	2L.32	9S.31
2-8	011-20	2S.58	8L.28	2-9	5208	2L.76	9L.68
2-8	c	2S.15	8S.11	2-9	d	2L.83	9L.27
2-8	f	2ctr.	8ctr.				
2-8	006-10	2ctr.	8ctr.	2-10	043-10	2S.89	10L.40
2-8	d	2L.05	8L.10	2-10	5651	2S.71	10L.62
2-8	e	2L.07	8L.10	2-10	b	2S.50	10L.75
2-8	4414	2L.12	8L.14	2-10	8864	2S.10	10L.76
2-8	7069	2L.13	8L.14	2-10	4484	2S.09	10L.14
2-8	003-5	2L.19	8S.72	2-10	5830	2L.12	10L.12
2-8	b	2L.20	8L.18	2-10	a	2L.16	10L.55
2-8	5454	2L.21	8S.39	2-10	I-3	2L.30	10S.40
2-8	h	2L.23	8L.22	2-10	5561	2L.35	10S.16
2-8	5484	2L.24	8S.58	2-10	8219	2L.50	10L.35

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
2-10	6853	2L.79	10L.86	3-5	h	3L.55	5L.22
2-10	035-2	2L.85	10L.49	3-5	b	3L.61	5L.57
				3-5	c	3L.62	5L.27
3-4	8969	3S.75	4L.75	3-5	7043	3L.63	5L.61
3-4	8397	3S.74	4S.55	3-5	8351	3L.75	5L.68
3-4	8634	3S.71	4L.75	3-5	6346	3L.94	5L.83
3-4	5156	3S.47	4L.67				
3-4	5920	3S.28	4L.73	3-6	b .	3S.73	6S.82
3-4	012-16	3S.27	4S.30	3-6	060-4	3S.62	6S.org.** 6L.08
3-4	4662	3S.24	4S.67	3-6	4349	3S.58	6L.70
3-4	4726	3S.16	4L.15	3-6	c	3S.56	6L.54
3-4	5891	3ctr.	4ctr.	3-6	016-17	3S.48	6L.30
3-4	5074-6	3ctr.	4ctr.	3-6	032-3	3S.41	6S.78
3-4	A-21	3L.07	4L.85	3-6	030-8	3S.27	6S.81
3-4	006-17	3L.10	4S.45	3-6	8963	3S.23	6L.14
3-4	037-9	3L.10	4L.14	3-6	a	3L.06	6L.30
3-4	8443	3L.12	4L.13	3-6	7067	3L.07	6L.75
3-4	6534	3L.48	4L.89	3-6	6349	3L.10	6L.15
				3-6	055-5	3L.16	6L.32
3-5	4635	3S.44	5S.48	3-6	8145	3L.17	6L.26
3-5	e	3S.34	5S.16	3-6	5368	3L.22	6L.20
3-5	6473	3S.32	5S.26	3-6	d	3L.23	6L.82
3-5	6462	3S.31	5L.47	3-6	5201	3L.26	6L.21
3-5	4880	3ctr.	5ctr.	3-6	6566	3L.41	6L.35
3-5	4898	3ctr.	5ctr.				6S.**
3-5	6695	3ctr.	5ctr.	3-6	8672	3L.47	6L.87
3-5	g	3L.01	5S.73	3-6	7162	3L.52	6L.53
3-5	8104	3L.05	5L.08	3-6	054-12	3L.72	6L.75
3-5	8528	3L.06	5L.72				
3-5	039-13	3L.13	5L.14	3-7	b	3S.92	7L.03
3-5	5874	3L.16	5L.21	3-7	001-15	3S.38	7L.30
3-5	5521	3L.17	5L.48	3-7	004-7	3S.38	7L.26
3-5	a	3L.28	5L.60	3-7	a .	3S.25	7L.18

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
3-7	4670	3S.20	7L.76	3-8	a	3L.41	8L.61
3-7	4773	3S.11	7L.07	3-8	6261	3L.49	8L.40
3-7	5724	3ctr.	7ctr.	3-8	h	3L.53	8S.46
3-7	5955	3L.10	7L.58	3-8	8350	3L.75	8S.60
3-7	029-3	3L.11	7L.13	3-8	4340	3L.88	8L.72
3-7	5378	3L.13	7L.73	3-8	4301-39	3L.92	8L.82
3-7	e	3L.25	7S.56				
3-7	6466	3L.36	7L.14	3-9	054-18	3S.88	9L.82
3-7	c	3L.46	7L.45	3-9	6722	3S.66	9S.66
3-7	5471	3L.64	7L.58	3-9	7041	3S.59	9L.70
3-7	d	3L.64	7L.81	3-9	5643	3S.55	9L.64
3-7	8006	3L.88	7L.90	3-9	8447	3S.44	9L.14
				3-9	030-2	3S.39	9L.30
3-8	024-11	3S.65	8L.49	3-9	8465	3S.27	9L.41
3-8	6373	3S.53	8L.68	3-9	8032	3S.26	9L.96
3-8	e	3S.36	8L.21	3-9	020-5	3ctr.	9ctr.
3-8	4626	3S.30	8L.31	3-9	e	3L.02	9L.29
3-8	6439	3S.30	8L.15	3-9	5775	3L.09	9S.24
3-8	8666	3S.30	8L.14	3-9	c	3L.09	9L.12
3-8	8667	3S.30	8L.14			3S.15	9S.20**
3-8	8670	3S.30	8L.14	3-9	h	3L.09	9L.33
3-8	8367	3S.28	8S.52	3-9	a	3L.11	9L.16
3-8	5558	3S.26	8S.74	3-9	d	3L.13	9L.26
3-8	c	3S.23	8L.85	3-9	g	3L.40	9L.14
3-8	4303-12	3ctr.	8ctr.	3-9	b	3L.48	9L.53
3-8	4872	3ctr.	8ctr.	3-9	5285	3L.51	9L.49
3-8	043-14	3L.02	8S.40	3-9	4727	3L.54	9L.42
3-8	7362	3L.07	8L.69	3-9	f	3L.63	9S.69
3-8	f	3L.08	8L.10	3-9	8562	3L.65	9L.22
3-8	g	3L.12	8L.19	3-9	4963	3L.76	9L.57
3-8	b	3L.16	8L.23	3-10	7464	3S.49	10L.60
3-8	8023	3L.18	8L.16	3-10	8412	3S.39	10S.36
3-8	4874	3L.28	8L.32				

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
3-10	8349	3S.38	10ctr.	4-5	018-4	4L.61	5L.67
3-10	4382	3S.38	10L.29	4-5	027-10	4L.61	5L.79
3-10	5892	3S.17	10L.25	4-5	021-3	4L.62	5S.71
3-10	a	3L.16	10L.22	4-5	8395	4L.63	5L.82
3-10	b	3L.19	10L.27	4-5	b	4L.76	5L.68
3-10	c	3L.22	10L.30				
3-10	6691	3L.30	10L.87	4-6	b	4S.80	6L.16
3-10	036-15	3L.48	10L.64	4-6	e	4S.62	6L.56
3-10	044-10	3L.77	10L.72	4-6	7328	4S.53	6S.89
				4-6	8380	4S.47	6L.18
4-5	e	4S.41	5S.32	4-6	5227	4S.46	6S.84
4-5	g	4S.38	5L.30	4-6	025-12	4S.44	6L.34
4-5	8108	4S.37	5S.72	4-6	4341	4S.37	6S.81
4-5	5529	4S.37	5L.46	4-6	c	4S.33	6S.83
4-5	8069	4S.34	5S.71	4-6	011-16	4S.31	6L.33
4-5	c	4S.34	5L.27				6S. **
4-5	6831	4S.32	5S.59	4-6	4447	4S.28	6L.14
4-5	6560	4S.32	5S.21	4-6	6623	4L.18	6L.31
4-5	002-12	4S.29	5S.36	4-6	8591	4L.17	6L.24
4-5	4305-8	4S.27	5L.28	4-6	055-8	4L.29	6L.25
4-5	4472	4S.25	5S.19	4-6	8428	4L.32	6L.28
4-5	d	4S.21	5L.22	4-6	8764	4L.32	6L.90
4-5	k	4S.06	5L.13	4-6	a	4L.37	6L.43
4-5	7078	4L.05	5L.10	4-6	d	4L.49	6L.53
4-5	i	4L.10	5S.15	4-6	003-16	4L.50	6S.90
4-5	h	4L.13	5L.08	4-6	7037	4L.61	6S.77
4-5	a	4L.19	5S.29	4-6	8927	4L.70	6L.18
4-5	j	4L.21	5L.36	4-6	038-11	4L.78	6L.29
4-5	8622	4L.30	5L.52	4-6	8339	4L.87	6L.79
4-5	006-7	4L.43	5S.25				
4-5	7136	4L.45	5L.33	4-7	8103	4S.81	7L.76
4-5	f	4L.50	5L.80	4-7	6575	4S.38	7S.32
4-5	6743	4L.56	5S.59	4-7	a	4S.32	7L.06

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
4-7	48-40-8	4S.32	7L.64	4-9	5884	4L.40	9L.49
4-7	7347	4S.31	7L.66	4-9	f	4L.55	9L.18
4-7	7108	4S.17	7S.45	4-9	5574	4L.80	9L.87
4-7	4698	4L.08	7L.74	4-9	c	4L.82	9L.29
4-7	7067	4L.17	7S.60	4-9	b	4L.90	9L.29
4-7	027-17	4L.17	7L.31	4-9	8636	4L.94	9S.09
4-7	8374	4L.24	7L.55	4-9	8649	4L.94	9S.09
4-7	4483	4L.39	7L.61				
				4-10	c	4S.64	10L.18
4-8	036-16	4S.66	8L.69	4-10	9028	4S.57	10L.89
4-8	a	4S.59	8L.19	4-10	8541	4S.45	10ctr.
4-8	8987	4S.58	8L.76	4-10	d	4S.36	10L.36
4-8	8607	4S.42	8L.35	4-10	6662	4L.04	10L.03
4-8	8004	4S.27	8L.84	4-10	e	4L.14	10L.14
4-8	5339	4S.22	8L.71	4-10	b	4L.15	10L.60
4-8	8456	4S.22	8L.75	4-10	021-5	4L.34	10L.33
4-8	b	4S.18	8L.16	4-10	073-8	4L.41	10S.74
4-8	6063	4S.02	8L.05	4-10	6587	4L.55	10L.51
4-8	6926	4L.60	8L.71	4-10	057-14	4L.56	10S.48
4-8	6363	4L.76	8L.30	4-10	024-16	4L.75	10L.18
				4-10	f	4L.94	10L.14
4-9	e	4S.53	9L.26				
4-9	4307-12	4S.48	9L.55	5-6	5622	5S.94	6L.92
4-9	g	4S.27	9L.27			5S.87	6L.47**
4-9	5918	4S.24	9L.18	5-6	8818	5S.91	6L.93
4-9	4304-82	4S.22	9L.37			5L.91	6L.93**
4-9	6222	4L.03	9S.68	5-6	6522	5S.87	6L.70
4-9	6504	4L.09	9S.83	5-6	6559	5S.72	6L.09
4-9	d	4L.12	9L.17	5-6	d	5S.64	6S.89
4-9	a	4L.16	9L.58			5S.58	6S.Sat.**
4-9	004-7	4L.28	9L.26	5-6	040-1	5S.48	6S.82
4-9	4373	4L.29	9L.39	5-6	f	5S.37	6S.76
4-9	5657	4L.33	9S.25	5-6	8590	5S.29	6L.25
						5S.25	6L.61**
				5-6	4933	5S.23	6L.89

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
5-6	5765	5S.19	6L.32	5-7	8671	5L.96	7L.67
5-6	5906	5S.15	6L.13				
5-6	e	5L.11	6L.60	5-8	8420	5S.90	8L.33
5-6	4669	5L.13	6L.40	5-8	8746	5S.84	8L.25
5-6	6062	5L.20	6L.78	5-8	5013	5S.67	8L.59
5-6	5685	5L.27	6L.20	5-8	6612	5S.59	8L.66
		5S.24	6L.23**	5-8	013-11	5S.59	8S.63
5-6	4934	5L.34	6L.89	5-8	d	5S.55	8L.12
5-6	a	5L.35	6L.43	5-8	5570	5S.47	8S.35
5-6	4666	5L.35	6L.86	5-8	c	5S.24	8L.20
5-6	004-17	5L.60	6L.24	5-8	b	5S.23	8L.23
5-6	b	5L.72	6L.21	5-8	5575	5S.21	8S.22
5-6	8219	5L.76	6S.84	5-8	7068	5S.18	8L.18
		5L.69	6S.Sat.**	5-8	5777	5S.13	8L.19
5-6	c	5L.81	6L.08	5-8	6402	5S.07	8L.07
		5L.89	6S.00**	5-8	A-50	5S.07	8L.11
5-6	8696	5L.89	6S.80	5-8	6406	5ctr.	8ctr.
5-7	d	5S.63	7S.33	5-8	f	5L.02	8S.08
5-7	064-18	5S.61	7S.49	5-8	6289	5L.06	8L.54
5-7	061-4	5S.54	7L.30	5-8	045-6	5L.08	8L.13
5-7	5143	5S.51	7L.10	5-8	002-17	5L.11	8L.28
5-7	e	5S.40	7S.18	5-8	8997	5L.16	8L.08
5-7	013-3	5S.36	7S.35	5-8	014-5	5L.19	8L.18
5-7	4306-4	5S.32	7L.35	5-8	053-4	5L.21	8S.48
5-7	8679	5S.09	7S.26	5-8	4636	5L.23	8L.79
5-7	062-18	5ctr.	7ctr.	5-8	g	5L.28	8S.44
5-7	023-13	5L.12	7L.15	5-8	007-17	5L.32	8S.47
5-7	b	5L.18	7S.36	5-8	5866	5L.32	8L.77
5-7	6293	5L.26	7L.63	5-8	7102	5L.48	8S.10
5-7	8630	5L.38	7L.24	5-8	030-1	5L.48	8L.78
5-7	c	5L.42	7L.72	5-8	a	5L.49	8S.58
5-7	5179	5L.55	7L.73	5-8	8806	5L.72	8S.59
5-7	a	5L.78	7L.72	5-8	8796	5L.76	8L.11
5-7	f	5L.80	7L.85				

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
5-8	055-20	5L.81	8L.67	5-10	6830	5ctr.	10ctr.
				5-10	b	5L.09	10S.25
5-9	8854	5S.33	9S.36	5-10	5358	5L.10	10L.76
5-9	022-11	5S.30	9L.27	5-10	073-6	5L.13	10S.41
5-9	B-91	5S.23	9L.21	5-10	4384	5L.13	10L.79
5-9	6057	5S.15	9S.52	5-10	a	5L.14	10S.54
5-9	8591	5S.09	9L.25	5-10	5188	5L.37	10S.65
5-9	c	5S.07	9L.10	5-10	006-11	5L.49	10L.52
5-9	020-7	5ctr.	9ctr.	5-10	022-20	5L.65	10S.62
5-9	4817	5L.06	9S.07	5-10	7142	5L.73	10L.17
5-9	5614	5L.09	9L.06	5-10	5290	5L.78	10S.49
5-9	d	5L.14	9L.10	5-10	5688	5L.78	10L.53
5-9	008-18	5L.29	9L.26	5-10	8345	5L.87	10S.61
5-9	4790	5L.34	9L.45	5-10	4801	5L.91	10L.23
5-9	8895	5L.37	9L.11	5-10	5557	5L.92	10S.39
5-9	4305-22	5L.42	9L.15				
5-9	e	5L.46	9L.74	6-7	7036	6S.90	7L.63
5-9	4352	5L.48	9L.61	6-7	035-3	6S.80	7L.20
5-9	015-10	5L.50	9L.20	6-7	5181	6S.79	7L.86
5-9	013-9	5L.51	9L.82			6S.Org.	7L.86**
5-9	b	5L.68	9L.44	6-7	4964	6S.76	7L.72
5-9	a	5L.69	9S.17			6S.Org.	7L.63**
5-9	4871	5L.71	9S.38	6-7	054-6	6L.10	7L.60
5-9	8457	5L.78	9S.83	6-7	6498	6L.16	7S.48
5-9	6200	5L.81	9L.71			6L.23	7S.near ctr.**
5-9	8386	5L.87	9S.13	6-7	4573	6L.22	7L.27
				6-7	4545	6L.25	7S.73
						6L.07	7S.near ctr.**
5-10	6760	5S.78	10S.40	6-7	7380	6L.29	7L.45
5-10	5355	5S.77	10L.45	6-7	011-11	6L.29	7L.29
5-10	5653	5S.76	10L.71	6-7	013-8	6L.31	7L.22
5-10	031-18	5S.58	10S.55			6L.27	7L.63**
5-10	X-57-16	5S.42	10L.42	6-7	6885	6L.33	7S.58
5-10	5679	5S.16	10L.15	6-7	8143	6L.35	7L.36
						6L.18	7L.16**

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
6-7	4337	6L.37	7L.13	6-9	8906	6L.27	9L.59
6-7	6598	6L.43	7L.61	6-9	043-1	6L.36	9L.36
6-7	4594	6L.52	7S.67	6-9	5964	6L.47	9L.83
6-7	027-6	6L.66	7L.97	6-9	8768	6L.89	9S.61
6-7	a	6L.73	7L.68				
6-7	7402	6L.97	7L.14	6-10	f	6S.92	10S.28
				6-10	5253	6S.80	10L.41
6-8	058-1	6ctr.	8L.46	6-10	5519	6S.75	10L.17
6-8	6187	6L.19	8L.51	6-10	b	6L.12	10L.29
6-8	6873	6L.21	8L.29	6-10	e	6L.14	10S.43
6-8	5028	6L.21	8L.31	6-10	d	6L.16	10L.29
6-8	c	6L.27	8L.50	6-10	8645	6L.21	10L.28
6-8	5605	6L.36	8L.22	6-10	8651	6L.27	10L.48
6-8	a	6L.41	8L.80	6-10	h	6L.47	10L.87
6-8	024-1	6L.42	8L.74	6-10	044-8	6L.48	10L.51
6-8	d	6L.51	8L.77	6-10	c	6L.51	10S.36
6-8	b	6L.79	8S.76	6-10	8904	6L.51	10L.83
				6-10	4307-12	6L.74	10S.71
6-9	017-14	6S.80	9L.50	6-10	a	6L.75	10L.15
6-9	4778	6S.80	9L.30	6-10	4833	6L.83	10S.78
6-9	a	6S.79	9L.40	6-10	g	6L.85	10L.20
		6S.org.	**	6-10	5780	6L.93	10L.13
6-9	d	6S.73	9L.82				
6-9	067-6	6S.39	9L.47	7-8	5828	7S.31	8L.10
6-9	5454	6ctr.	9S.75	7-8	6531	7ctr.	8ctr.
6-9	84-39	6L.06	9S.73	7-8	6981	7ctr.	8ctr.
6-9	b	6L.10	9S.37	7-8	8580	7ctr.	8ctr.
6-9	4505	6L.13	9ctr.	7-8	004-3	7ctr.	8ctr.
6-9	c	6L.15	9L.29	7-8	016-15	7ctr.	8ctr.
6-9	8536	6L.18	9S.81	7-8	034-17	7L.05	8S.59
6-9	e	6L.18	9L.24	7-8	5499	7L.05	8L.08
6-9	6270	6L.19	9L.28	7-8	062-16	7L.15	8L.17
6-9	6019	6L.27	9L.26				

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
7-8	014-17	7L.18	8L.30	8-9	b	8S.67	9L.75
7-8	4536	7L.34	8L.47	8-9	4643	8S.37	9L.11
7-8	038-8	7L.52	8L.46	8-9	c	8ctr.	9ctr.
7-8	7149	7L.56	8L.65	8-9	8525	8L.06	9S.63
7-8	5479	7L.70	8S.21	8-9	5391	8L.07	9S.33
7-8	021-1	7L.72	8L.49	8-9	d	8L.09	9S.16
7-8	4824	7L.83	8L.25	8-9	a	8L.13	9L.38
				8-9	8951	8L.13	9L.77
7-9	b	7S.76	9S.19	8-9	043-6	8L.17	9S.34
7-9	071-1	7S.70	9L.07	8-9	e	8L.32	9L.25
7-9	8659	7S.55	9S.35	8-9	6673	8L.35	9S.31
7-9	053-8	7S.51	9L.77	8-9	4775	8L.42	9L.68
7-9	5074	7S.48	9L.53	8-9	4593	8L.69	9L.65
7-9	8558	7S.22	9L.16	8-9	6921	8L.85	9L.15
7-9	4363	7ctr.	9ctr.	8-9	5300	8L.85	9S.43
7-9	6225	7ctr.	9ctr.	8-9	4453	8L.86	9S.68
7-9	8383	7ctr.	9ctr.				
7-9	6482	7L.01	9S.97	8-10	b	8ctr.	10ctr.
7-9	7074	7L.03	9S.80	8-10	5585	8ctr.	10ctr.
7-9	c	7L.14	9L.22	8-10	6653	8L.04	10L.06
7-9	4713	7L.60	9ctr.	8-10	9020	8L.13	10S.50
7-9	027-9	7L.61	9S.18	8-10	6488	8L.14	10S.34
7-9	6978	7L.62	9S.83	8-10	5287	8L.17	10S.33
7-9	a	7L.63	9S.07	8-10	034-19	8L.24	10L.28
7-9	032-13	7L.82	9L.88	8-10	001-5	8L.30	10S.57
7-9	5381	7L.85	9L.78	8-10	d	8L.39	10L.16
				8-10	c	8L.41	10S.56
7-10	7356	7S.75	10L.88	8-10	6128	8L.43	10S.49
7-10	022-15	7ctr.	10ctr.	8-10	a	8L.48	10S.48
7-10	015-12	7ctr.	10ctr.	8-10	5944	8L.75	10L.40
7-10	019-3	7L.17	10L.47	8-10	e	8L.84	10S.37
7-10	4422	7L.79	10ctr.				

Translocation		Break Points		Translocation		Break Points	
9-10	059-10	9S.31	10L.53	9-10	5488	9L.57	10L.89
9-10	8630	9S.28	10L.37	9-10	041-4	9L.67	10L.92
9-10	b	9S.13	10S.40	9-10	041-6	9L.70	10L.90
9-10	4303-9	9L.26	10S.44	9-10	7103	9L.73	10L.88

The following reciprocal translocation stocks do not involve the same chromosomes and/or breakpoints as originally reported. The new information was kindly supplied by Dr. C. R. Burnham and Associates of the University of Minnesota.

<u>Translocation</u>	<u>Symbol</u>	<u>Breakpoint from Longley ARS-34-16</u>		<u>New information Burnham and Associates</u>	
1-5	8347	1S.84	5L.51	1	2
1-5	8972	1S.56	5S.29		1 not correct
1-5	018-5	1S.53	5L.52	1	2
1-5	055-4	1S.32	5L.31	1	or 5 not correct
1-5	040-3	1S.17	5L.61	1	or 5 not correct
1-5	024-5	1S.09	5L.98	1	2
1-5	4331	1L.03	5S.02	7	10
1-5	6178	1L.04	5L.05	1	2
1-5	8388	1L.30	5S.25	1	2
2-6	4394	2S.91	6L.12	4	6
2-6	6671	2S.22	6L.22	5S.49	6L.35
2-6	5648	2L.25	6L.19	1	6
2-6	9002	2L.57	6L.56	1	6
2-6	f	2L.79	6L.87	1	6
5-6	8665	5L.58	6L.25	Independent of chrom. 5 genes	
5-10	6061	5S.60	10L.57	2	10

Also in the Maize Genetics Co-op collection are 48 cultures with no chromosome information and 27 cultures with chromosomes involved determined but no breakpoints. This seed is available to anyone who wishes to determine the chromosomes and breakpoints or would like to use the material as unknowns in cytogenetic courses.